

Ο Δρ. **Martin Reczko** γεννήθηκε στο Schleswig (Γερμανία) το 1965. Είναι έμπειρος βιοπληροφορικός και ήταν ο βασικός ερευνητής στην βιοπληροφορική στο Ινστιτούτο Πληροφορικής στο Ίδρυμα Τεχνολογίας και Έρευνας (ΙΤΕ) στο Ηράκλειο Κρήτης επί σειρά ετών . Επίσης, είναι μεταδιδακτορικός στο Ερευνητικό Κέντρο Βιοϊατρικών Ερευνών "Αλέξανδρος Φλέμινγκ" από το 2008. Το επίκεντρο των ερευνητικών του ενδιαφερόντων έγκειται στην ανάπτυξη νέων υπολογιστικών μεθόδων για την μοντελοποίηση πολυσύνθετων βιολογικών συστημάτων. Σε αυτόν τον τομέα έχει εκδόσει άρθρα εκτενώς, και έχει πάρει μέρος σε πολλά εθνικά και ευρωπαϊκά προγράμματα έρευνας και ανάπτυξης.



Επιλεγμένες δημοσιεύσεις:

"DIANA-microT web server: elucidating microRNA functions through target prediction." (2009)

M. Maragkakis, M. Reczko, V.A. Simossis, P. Alexiou, G.L. Papadopoulos, T. Dalamagas, G. Giannopoulos, G. Goumas, E. Koukis, K. Kourtis, T. Vergoulis, N. Koziris, T. Sellis, P. Tsanakas , A. Hatzigeorgiou, **Nucleic Acids Res.** 37:W273-6

"A Positive Regulatory Loop between a Wnt-Regulated Non-coding RNA and ASCL2 Controls Intestinal Stem Cell Fate" (2016) A. Giakountis, P. Moulos, V. Zarkou, C. Oikonomou, V. Harokopos, A. Hatzigeorgiou, M. Reczko, P. Hatzis, **Cell Reports** 15(12):2588-96.

"Discrete clusters of viral encoded miRNAs are associated with complementary strands of the genome and the 7.2- kb stable intron in murine cytomegalovirus" (2007) A. Buck, J. Santoyo-Lopez, K.. Robertson, D.. Kumar, M. Reczko and P. Ghazal, **Journal of Virology** 81:13761-13770.

"Association of microRNA-221/222 and -323-3p with rheumatoid arthritis via predictions using the human TNF transgenic mouse model" (2012) I. Pandis, C. Ospelt, N. Karagianni, M. Denis, M. Reczko, C. Camps, A. Hatzigeorgiou, J. Ragoussis, S. Gay, G. Kollias, **Arthritis Research & Therapy** 14:P59

"Functional microRNA targets in protein coding sequences" (2012) M. Reczko, M. Maragkakis, P. Alexiou, I. Grosse, A. Hatzigeorgiou, **Bioinformatics** 28(6):771-6

"TarBase 6.0: capturing the exponential growth of miRNA targets with experimental support" (2012) T. Vergoulis, I. Vlachos, P. Alexiou, G. Georgakilas, M. Maragkakis, M. Reczko, S. Gerangelos, N. Koziris, T. Dalamagas, A. Hatzigeorgiou, **Nucleic Acids Res.** D222-9.

"A computational exploration of bacterial metabolic diversity identifying metabolic interactions and growth-efficient strain communities" (2011) E. Tzamali, P. Poirazi, I. Tollis, M. Reczko, **BMC Systems Biology** 5:167